

**SECRETARIA DA SAÚDE DO ESTADO  
DA BAHIA (SESAB)**  
Roberta Silva de Carvalho Santana

**SUPERINTENDÊNCIA DE VIGILÂNCIA  
E PROTEÇÃO DA SAÚDE (SUvisa)**  
Rívia Mary de Barros

**DIRETORIA DE VIGILÂNCIA  
EPIDEMIOLÓGICA (DIVEP)**  
Márcia São Pedro Leal Souza

**COORDENAÇÃO DE IMUNIZAÇÕES  
E DOENÇAS IMUNOPREVENÍVEIS  
(CIVEDI)**  
Vânia R. Barbosa Vanden Broucke

**GT COVID-19****Ana Claudia Fernandes Nunes**

Ana Carolina de Castro Silva

Daniele Ribeiro de Souza

Egivando Gonçalves dos Santos

Ladjane Barbosa Armede

Maurício Polycarpo Ferreira da Silva

Tatiana Carla Bezerra de Oliveira

(71) 3103-7739

[divep.covid@saude.ba.gov.br](mailto:divep.covid@saude.ba.gov.br)

A vigilância genômica é um importante recurso da Vigilância em Saúde e é recomendada pela Organização Mundial da Saúde (OMS). Considerando o atual momento no qual linhagens do SARS-CoV-2 podem promover a alteração das características da doença, da transmissão do vírus, do impacto da vacina, ou da eficácia das medidas de saúde pública aplicadas para controlar a propagação da COVID-19, sua execução é fundamental para o monitoramento da circulação do vírus no estado.

## Cenário Atual

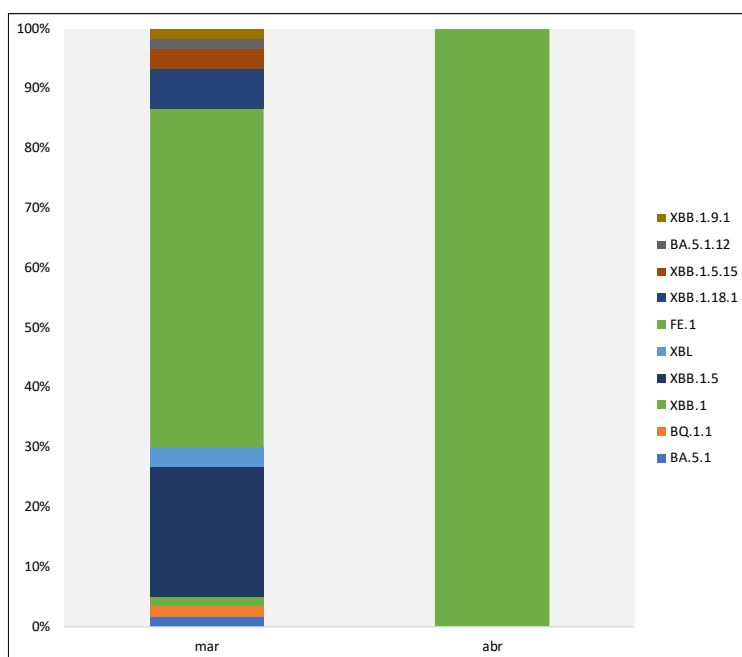
No ano de 2023 até a semana epidemiológica 16 (período de 02/01/2023 a 22/04/2023), foram realizados 423 sequenciamentos genômicos pelo LACEN/FIOCRUZ-RJ. A variante identificada nessas amostras foi a Ômicron, com a confirmação de 24 sublinhagens. A circulação dessa VOC (do inglês *variant of concern* – VOC), ocorreu em 35 (8,4%) municípios do estado (Tabela 1) e referem-se a amostras coletadas do período de novembro de 2022 a abril de 2023.

**Tabela 1.** Circulação da VOC nos municípios do estado, sequenciadas no ano de 2023. Bahia, 2023.

Município Requisitante	VOC ÔMICRON
ALAGOINHAS	1
ALCOBAÇA	4
AMARGOSA	2
BARREIRAS	7
CAMAÇARI	5
CASTRO ALVES	1
CONCEIÇÃO DO JACUÍPE	4
CRUZ DAS ALMAS	8
FEIRA DE SANTANA	14
ILHÉUS	23
IPIRÁ	4
ITABERABA	10
JAGUARARI	2
JEQUIÉ	10
JUAZEIRO	7
LAJE	1
MADRE DE DEUS	3
PORTO SEGURO	4
PRADO	6
REMANSO	10
RUY BARBOSA	7
SALINAS DA MARGARIDA	1
SALVADOR	238

Município Requisitante	VOC ÔMICRON
SANTO AMARO	2
SANTO ANTÔNIO DE JESUS	20
SANTO ESTÊVÃO	1
SÃO SEBASTIÃO DO PASSÉ	2
SENHOR DO BONFIM	1
SERRA PRETA	1
SERRINHA	6
TEIXEIRA DE FREITAS	4
UAUÁ	9
URANDI	2
VALENTE	1
VITÓRIA DA CONQUISTA	2
<b>Total Geral</b>	<b>423</b>

**Gráfico 1.** Linhagens de SARS-CoV-2 encontradas por ano/mês da coleta da amostra no último relatório de Sequenciamento Genético de SARS- Cov-2 do ano de 2023. Bahia, 2023.

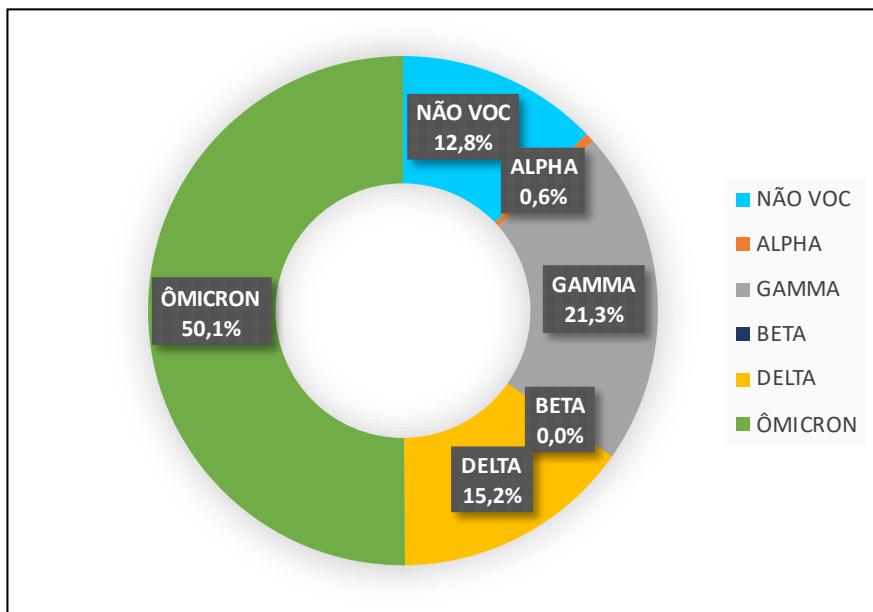


Foram sequenciadas 61 amostras, segundo o relatório de Sequenciamento Genético de SARS- Cov-2 do dia 20/04/2023, para a Vigilância Epidemiológica. Essas amostras estão representadas no gráfico ao lado (Gráfico 1) por resultado da linhagem e mês da coleta da amostra. Destaca-se a FE.1 com 54,4% das amostras, seguida da XBB.1.5 (21,3%) e XBB.1.18.1 (6,6%).

## Cenário Acumulado

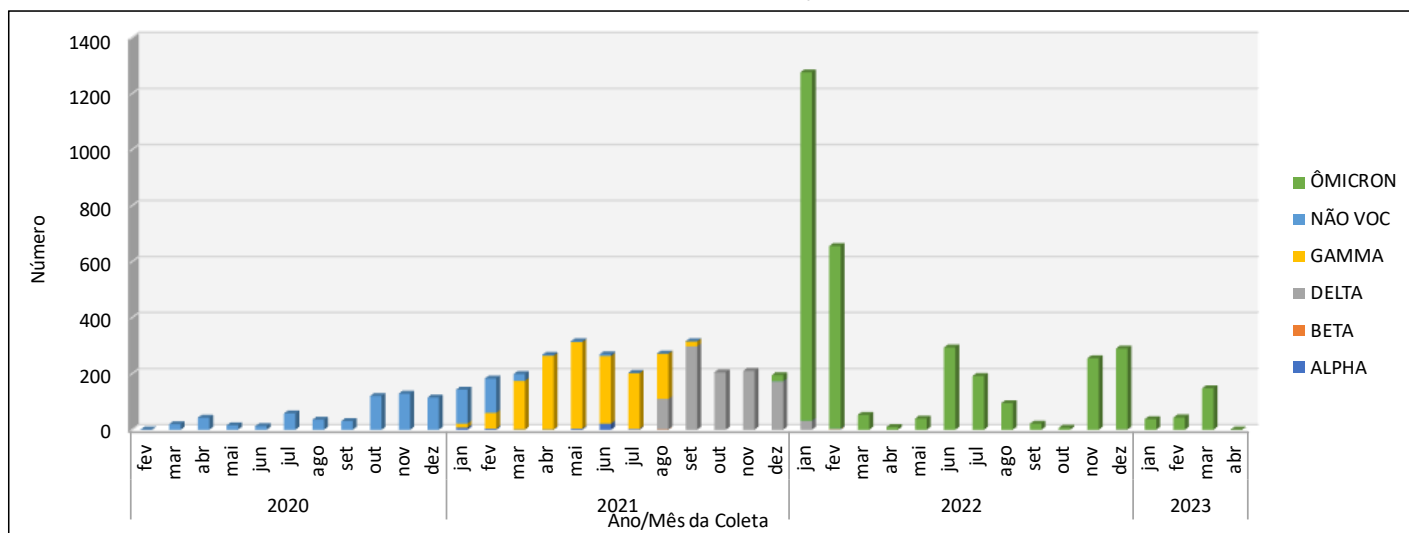
Do período de 5 de fevereiro de 2021 a 20 de abril de 2023, foram notificados 6.793 resultados de sequenciamento genômico no estado. Destes, 5.923 referem-se a VOC, sendo 3.405 da Ômicron (50,1%), 1.445 (21,3%) da Gamma, 1.031 (15,2%) da Delta, 41 (0,6%) Alpha e 1 (0,01%) da Beta (Gráfico 2).

**Gráfico 2.** Resultados de sequenciamento genômico do vírus SARS CoV-2 por Classificação VOC/Não VOC. Bahia, 2021-2023.



O Gráfico 3 apresenta os resultados de sequenciamento genômico do vírus SARS CoV-2 por Classificação VOC/Não VOC e ano/mês da coleta da amostra. Em janeiro de 2021 foram detectados os primeiros casos de VOC Alpha e Gamma, em julho de 2021 os primeiros casos da VOC Delta, em agosto de 2021 o primeiro caso da VOC Beta, e em dezembro de 2021, os primeiros casos da Ômicron. Destaca-se que, entre as Semanas Epidemiológicas 02 e 52 de 2022, a VOC Ômicron representou a maior proporção (69,33%) das amostras sequenciadas. Deste então, até o momento se mantém como a variante mais identificada no Estado.

**Gráfico 3.** Resultados de sequenciamento genômico do vírus SARS CoV-2 por Classificação VOC/Não VOC e ano/mês da coleta da amostra. Bahia, 2021-2023.



## Recomendações para as equipes de Vigilância Epidemiológica

Após o recebimento da comunicação do resultado de sequenciamento dos casos confirmados de VOC, VOI ou VUM, estes devem ser investigados para a determinação do tipo vínculo epidemiológico. As investigações devem ser preenchidas e anexadas no formulário: <https://forms.gle/7kJH2KB4LYXcsq326>

Recomendamos a devida implementação das medidas de controle e prevenção de novos casos, como o isolamento dos casos suspeitos/confirmados e o rastreamento e monitoramento dos respectivos contatos próximos. Se houver hospitalização a ficha de notificação do SivepGripe deverá ser atualizada com as informações referentes a Vigilância Genômica Epidemiológica e Reinfecção.

Seguir as demais recomendações que constam na **Nota Técnica nº 50/2022 DIVEP/SUVISA**.

## Referências

BAHIA. Boletim CIEVS BAHIA. Vigilância Genômica do SARS COV-2 nº 3 – fevereiro de 2023. Disponível em: [https://www.saude.ba.gov.br/wp-content/uploads/2023/02/BOLETIM-CIEVS-03\\_fevereiro.pdf](https://www.saude.ba.gov.br/wp-content/uploads/2023/02/BOLETIM-CIEVS-03_fevereiro.pdf)

BAHIA. Boletim CIEVS BAHIA. Vigilância Genômica do SARS COV-2 nº 17 – junho de 2022. Disponível em: [https://www.saude.ba.gov.br/wp-content/uploads/2022/06/Boletim-Vigilancia-Genomica-do-Virus-SARS-COV-2\\_n17\\_2022.pdf](https://www.saude.ba.gov.br/wp-content/uploads/2022/06/Boletim-Vigilancia-Genomica-do-Virus-SARS-COV-2_n17_2022.pdf)

BRASIL. MINISTÉRIO DA SAÚDE. Boletim Epidemiológico nº 146 – Boletim COE Coronavírus. Disponível em: <https://www.gov.br/saude/pt-br/centrais-de-conteudo/publicacoes/boletins/epidemiologicos/covid-19/2022/boletim-epidemiologico-no-146-boletim-coe-coronavirus/view>

BRASIL. MINISTÉRIO DA SAÚDE. Vigilância genômica do vírus SARS-CoV-2 no âmbito da SVS/MS. Ministério da Saúde, Secretaria de Vigilância em Saúde. Brasília: Ministério da Saúde, 2021. Disponível em: <https://www.gov.br/saude/pt-br/coronavirus/publicacoes-tecnicas/guias-e-planos/vigilancia-genomica-do-virus-sars-cov-2>