

**SECRETARIA DA SAÚDE DO ESTADO  
DA BAHIA (SESAB)**  
Roberta Silva de Carvalho Santana

**SUPERINTENDÊNCIA DE VIGILÂNCIA  
E PROTEÇÃO DA SAÚDE (SUvisa)**  
Rívia Mary de Barros

**DIRETORIA DE VIGILÂNCIA  
EPIDEMIOLÓGICA (DIVEP)**  
Márcia São Pedro Leal Souza

**COORDENAÇÃO DE IMUNIZAÇÕES  
E DOENÇAS IMUNOPREVENÍVEIS  
(CIVEDI)**  
Vânia R. Barbosa Vanden Broucke

**GT Vigilância das Síndromes Gripais**  
Ana Claudia Fernandes Nunes  
Aline Anne Ferreira de Deus  
Ana Lúcia Rosa Coutinho  
Daniele Ribeiro de Souza  
Egivando Gonçalves dos Santos  
Ladjane Barbosa Armede  
Mauricio Polycarpo Ferreira da Silva

(71) 3103-7739

[divep.covid@saude.ba.gov.br](mailto:divep.covid@saude.ba.gov.br)



A vigilância genômica é um importante recurso da Vigilância em Saúde e é recomendada pela Organização Mundial da Saúde (OMS). Considerando o atual momento no qual linhagens do SARS-CoV-2 podem promover a alteração das características da doença, da transmissão do vírus, do impacto da vacina, ou da eficácia das medidas de saúde pública aplicadas para controlar a propagação da COVID-19, sua execução é fundamental para o monitoramento da circulação do vírus no estado.

## Cenário Atual

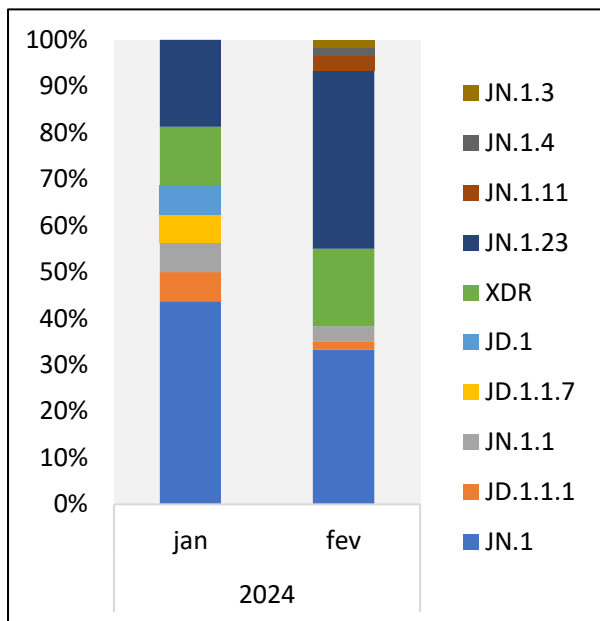
No ano de 2024 até a semana epidemiológica 18 (período de 31/12/2023 a 04/05/2024), foram realizados 272 sequenciamentos genômicos pelo LACEN/FIOCRUZ-RJ. A variante identificada nessas amostras foi a Ômicron, com a confirmação de 24 sublinhagens. A circulação dessa VOC (do inglês *variant of concern* – VOC), ocorreu em 66 (15,8%) municípios do estado (Tabela 1) e referem-se a amostras coletadas em novembro de 2023 a fevereiro de 2024. No ano de 2024, a subvariante da ômicron, JN.1, representa 39,7% dos resultados das amostras sequenciadas. A linhagem recombinante XDR do SARSCoV-2, representa 8,1% do total das amostras sequenciadas no estado.

**Tabela 1.** Circulação da VOC nos municípios do estado, sequenciadas no ano de 2024.

Município Requisitante	VOC ÔMICRON
ADUSTINA	3
ALAGOINHAS	13
AMARGOSA	2
AMÉLIA RODRIGUES	4
ANGUERA	1
BAIXA GRANDE	2
BARROCAS	2
BOBINAL	1
CAMAÇARI	8
CATU	7
CIPÓ	1
CONCEIÇÃO DE FEIRA	1
CONCEIÇÃO DO ALMEIDA	1
CONCEIÇÃO DO COITÉ	3
CORAÇÃO DE MARIA	3
CORONEL JOÃO SÁ	1
DIAS D'ÁVILA	1
DOM MACEDO COSTA	1
ENTRE RIOS	1
ESPLANADA	2

Município Requisitante	VOC ÔMICRON
FEIRA DE SANTANA	40
GAVIÃO	1
HELIÓPOLIS	2
ILHÉUS	4
IPECAETÁ	1
IPIRÁ	1
IRARÁ	1
IRECÊ	1
ITABERABA	4
ITABUNA	1
ITAPICURU	1
ITATIM	1
ITUAÇU	1
JACOBINA	4
JAGUARARI	1
JEQUIE	3
LUÍS EDUARDO MAGALHÃES	3
MARAGOGIPE	1
MARCIONÍLIO SOUZA	3
MORRO DO CHAPÉU	1
MUCURI	1
OURIÇANGAS	2
OUROLÂNDIA	2
PARIPIRANGA	8
PIATÃ	2
PINDOBAÇU	1
PINTADAS	3
POJUCA	1
PORTO SEGURO	4
REMANSO	1
RIBEIRA DO POMBAL	4
RUY BARBOSA	1
SALINAS DA MARGARIDA	1
SALVADOR	57
SANTA BÁRBARA	2
SANTO ANTÔNIO DE JESUS	22
SANTO ESTEVÃO	1
SÃO FELIPE	1
SENHOR DO BONFIM	1
SERRINHA	6
SERROLÂNDIA	1
SOBRADINHO	1
TEIXEIRA DE FREITAS	7
UTINGA	1
VALENTE	6
VITÓRIA DA CONQUISTA	2
<b>Total Geral</b>	<b>272</b>

**Gráfico 1.** Linhagens de SARS-CoV-2 encontradas por ano/mês da coleta da amostra no último relatório de Sequenciamento Genético de SARS- Cov-2. Bahia, 2024.



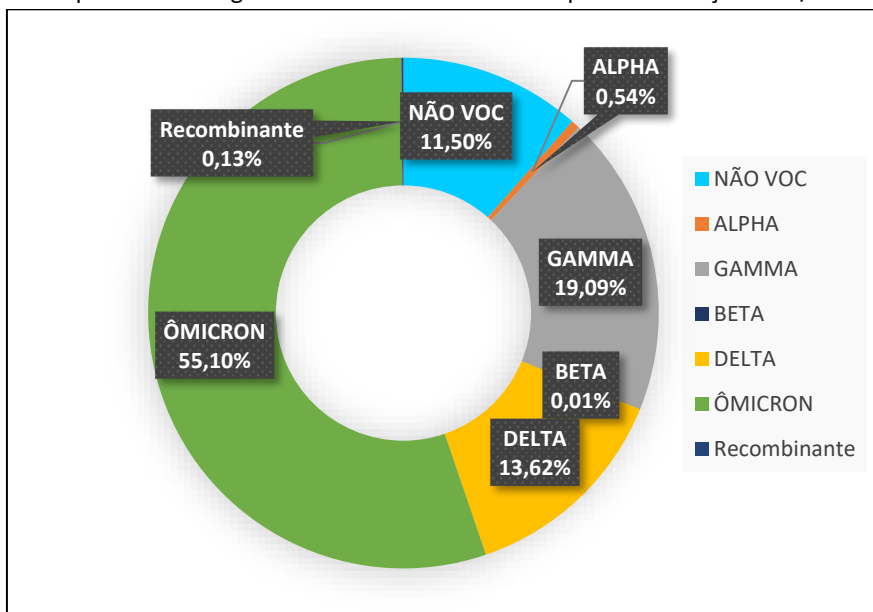
Segundo o relatório de Sequenciamento Genético de SARS- Cov-2 do dia 22/04/2024 para a Vigilância Epidemiológica, foram sequenciadas 76 amostras. Essas amostras estão representadas no gráfico ao lado (Gráfico 1) por resultado da linhagem e mês da coleta da amostra. Destaca-se a JN.1 com 35,5% das amostras, seguida da nova linhagem JN.1.23 (34,2%), a XDR (15,8%), a JN.1.1 (3,9%), a JN.1.11 e a JN.1.1.1 (cada uma com 2,6%) e a JN.1.3, JN.1.4, JD.1 e a JD.1.1.7 (com cada uma representando 1,3%).

Ressalta-se o Informe sobre a identificação e circulação da linhagem recombinante XDR do SARS-Cov-2 no Brasil, na Nota Técnica Conjunta nº 24/2024-CGVDI/DPNI/SVSA/MS.

## Cenário Acumulado

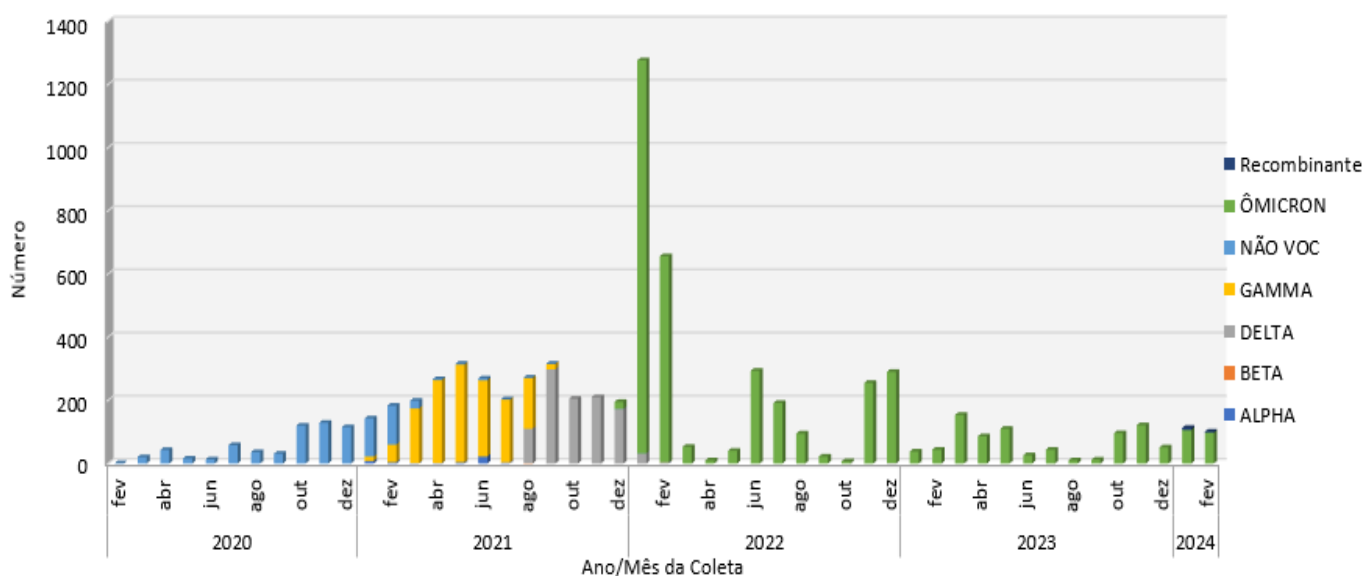
Do período de 5 de fevereiro de 2021 a 22 de abril de 2024, foram notificados 7.568 resultados de sequenciamento genômico no estado. Destes, 6.698 referem-se a VOC, sendo 4.170 da Ômicron (55,10%), 1.445 (19,09%) da Gamma, 1.031 (13,62%) da Delta, 41 (0,54%) da Alpha, 10 (0,13%) da Recombinante XDR e 1 (0,01%) da Beta (Gráfico 2).

**Gráfico 2.** Resultados de sequenciamento genômico do vírus SARS CoV-2 por Classificação VOC/Não VOC. Bahia, 2021-2024.



O Gráfico 3 apresenta os resultados de sequenciamento genômico do vírus SARS CoV-2 por Classificação VOC/Não VOC e ano/mês da coleta da amostra. Em janeiro de 2021 foram detectados os primeiros casos de VOC Alpha e Gamma, em julho de 2021 os primeiros casos da VOC Delta, em agosto de 2021 o primeiro caso da VOC Beta, e em dezembro de 2021, os primeiros casos da Ômicron. Destaca-se que, entre as Semanas Epidemiológicas 02 e 52 de 2022, a VOC Ômicron representou a maior proporção (69,33%) das amostras sequenciadas. Deste então, até o momento se mantém como a variante mais identificada no Estado.

**Gráfico 3. Resultados de sequenciamento genômico do vírus SARS CoV-2 por Classificação VOC/Não VOC e ano/mês da coleta da amostra. Bahia, 2021-2024.**



## Recomendações para as equipes de Vigilância Epidemiológica

Após o recebimento da comunicação do resultado de sequenciamento dos casos confirmados de VOC, VOI ou VUM, estes devem ser investigados para a determinação do tipo vínculo epidemiológico. As investigações devem ser preenchidas e anexadas no formulário: <https://forms.gle/7kJH2KB4LYXcsg326>

Recomendamos a devida implementação das medidas de controle e prevenção de novos casos, como o isolamento dos casos suspeitos/confirmados e o rastreamento e monitoramento dos respectivos contatos próximos. Se houver hospitalização a ficha de notificação do SivepGripe deverá ser atualizada com as informações referentes a Vigilância Genômica Epidemiológica e Reinfecção.

Seguir as demais recomendações que constam na **Nota Técnica nº 50/2022 DIVEP/SUVISA** e na **Nota Técnica nº 30/2023**.

## Referências

BAHIA. Nota Técnica nº 30/2023. Recomendações da vigilância epidemiológica para a realização do exame RTPCR em tempo real para SARS-CoV-2. Disponível em: [https://www.saude.ba.gov.br/wp-content/uploads/2023/08/Realizacao-de-RT-PCR\\_Nota\\_Tecnica\\_no-30\\_2023.pdf](https://www.saude.ba.gov.br/wp-content/uploads/2023/08/Realizacao-de-RT-PCR_Nota_Tecnica_no-30_2023.pdf)

BAHIA. Boletim CIEVS BAHIA. Vigilância Genômica do SARS COV-2 nº 3 – fevereiro de 2023. Disponível em: [https://www.saude.ba.gov.br/wp-content/uploads/2023/02/BOLETIM-CIEVS-03\\_fevereiro.pdf](https://www.saude.ba.gov.br/wp-content/uploads/2023/02/BOLETIM-CIEVS-03_fevereiro.pdf)

BAHIA. Boletim CIEVS BAHIA. Vigilância Genômica do SARS COV-2 nº 17 – junho de 2022. Disponível em: [https://www.saude.ba.gov.br/wp-content/uploads/2022/06/Boletim-Vigilancia-Genomica-do-Virus-SARS-COV-2\\_n17\\_2022.pdf](https://www.saude.ba.gov.br/wp-content/uploads/2022/06/Boletim-Vigilancia-Genomica-do-Virus-SARS-COV-2_n17_2022.pdf)

BRASIL. MINISTÉRIO DA SAÚDE. Boletim Epidemiológico nº 146 – Boletim COE Coronavírus. Disponível em: <https://www.gov.br/saude/pt-br/centrais-de-conteudo/publicacoes/boletins/epidemiologicos/covid-19/2022/boletim-epidemiologico-no-146-boletim-coe-coronavirus/view>

BRASIL. MINISTÉRIO DA SAÚDE. Guia de Vigilância do vírus SARS-CoV-2 uma abordagem epidemiológica e laboratorial. Ministério da Saúde, Secretaria de Vigilância em Saúde. Brasília: Ministério da Saúde, 2023. Disponível em: <https://www.gov.br/saude/pt-br/centrais-de-conteudo/publicacoes/svsa/comunicacao/guia-de-vigilancia-genomica-do-sars-cov-2-uma-abordagem-epidemiologica-e-laboratorial/view>

WORLD HEALTH ORGANIZATION. WHO. COVID-19 Weekly Epidemiological Update. Edition 139 published 20 April 2023. Disponível em: <https://www.who.int/publications/m/item/weekly-epidemiological-update-on-covid-19---20-april-2023>

BRASIL. MINISTÉRIO DA SAÚDE. Nota Técnica Conjunta nº24/2024-CGVDI/DPNI/SVSA/MS. Informe sobre a identificação e circulação da nova linhagem recombinante XDR do SARS-Cov-2 no Brasil. Disponível em: <https://www.gov.br/saude/pt-br/centrais-de-conteudo/publicacoes/notas-tecnicas/2024/nota-tecnica-conjunta-no-24-2024-cgvdi-dpni-svsa-ms>