

Secretaria de Saúde do
Estado da Bahia - SESAB

Governador
Rui Costa

Vice Governador
João Leão

Secretária Interina da Saúde
Adélia Pinheiro

Superintendência de
Vigilância
e Proteção da Saúde do
Estado
da Bahia - SUVISA

Superintendente
Rívia Barros

Comunicação
Éfren Ferreira

Centro de Informações
Estratégicas em Vigilância em
Saúde Estado da Bahia - CIEVS

Coordenação
Talita Uripa
Tatiana Medrado

Equipe Técnica
Ana Cotrim
Bárbara Reis
Caroline Carvalho
Ênio Soares
Fabiola Araújo
Fernanda Ribeiro
Imeide Santos
Juliana Andrade
Juliana Oliveira
Lívia Guerra
Paula Muniz
Paula Ribeiro
Patrícia França
Renata Oliveira
Rozeana Matos
Sheila de Jesus
Residentes
Jayelen Alves
Nayara Nogueira
Taiane Seviata

Administrativo
Jéssica Araújo

Vigilância Genômica do SARS-CoV-2

A COVID-19 é uma doença causada pelo coronavírus, denominado SARS-CoV-2, que como outros vírus, sofre mutações esperadas. Para avaliar a caracterização genômica do vírus, é realizada uma investigação laboratorial, que ocorre através de sequenciamento genético. Essa ação se tornou uma ferramenta estratégica para a saúde pública, contribuindo no enfrentamento da pandemia.

O monitoramento realizado através do sequenciamento genético do vírus SARS-CoV-2, aliado ao processo de investigação epidemiológica dos pacientes acometidos pela covid-19, possibilita avaliar as mutações identificadas. Verificar comportamento do vírus, sua capacidade de dispersão e infecção e sua gravidade, em consequente, possibilita direcionar medidas estratégicas de prevenção e controle da disseminação da doença no país.

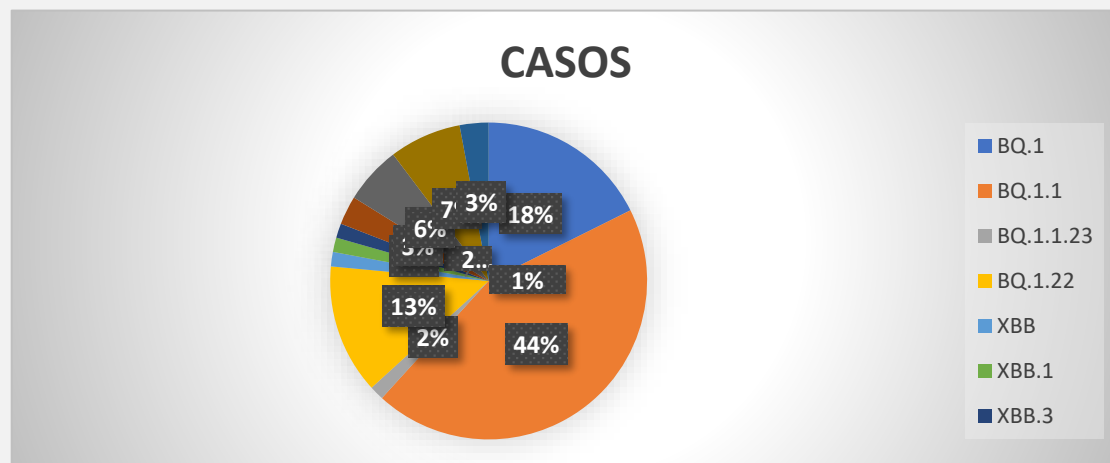
Quando as mutações geram alterações relevantes, com impactos no aspecto clínico-epidemiológico da doença, como maior gravidade e aumento da transmissibilidade, caracteriza-se esse vírus como uma variante de preocupação (variant of concern - VOC).

Entre as semanas epidemiológicas 42 a 46 de 2022, foi detectada no Brasil a circulação da sublinhagem BQ.1* (BQ.1 + BQ.1.1) da VOC Ômicron que são consideradas variantes de atenção e/ou preocupação (VOC), conforme dados divulgados na Nota Técnica Nº 17/2022-CGGRIPE/DEIDT/SVS/MS.

Segundo a Organização Mundial da Saúde (OMS), a BQ.1* é uma sublinhagem de BA.5, ambas são descendentes da VOC Ômicron e carregam mutações na proteína *spike*, podendo contribuir para o aumento da transmissibilidade e na capacidade de infecção pelo coronavírus. A variante XBB é uma sublinhagem recombinante, que mescla duas versões da Ômicron, a BA.2.10.1 e a BA.2.75 existindo evidências preliminares sugerindo risco maior de reinfecção, comparada a outras sublinhagens da ômicron.

Na Bahia, com resultados de uma nova análise de sequenciamento genético, das amostras coletas entre as semanas epidemiológicas 42 e 46, foram notificados pelo Lacen BA mais 69 resultados de sequenciamentos de amostras de SARS-CoV-2 de residentes do estado com identificação de: 12 casos com a subvariante BQ.1, 30 casos com a subvariante BQ.1.1, 9 casos com a subvariante BQ.1.22. Entre essas amostras, 05 casos de novas sublinhagens foram identificados pela primeira vez no estado: 02 casos da BE.9, 01 caso com a sublinhagem BQ.1.1.23, 2 casos com a sublinhagem XBB.1 e 1 caso com a sublinhagem XBB.3 (Gráfico 1).

Gráfico 1 – Resultados de uma nova rodada de sequenciamento genômico notificados do vírus SARS-CoV-2 por classificação VOC, Bahia, 2022 (SE 42 a 46).



Fonte: Elaborado pelo Centro de Informações Estratégicas em Vigilância em Saúde do Estado da Bahia. Dados notificados até 08/12/2022.



BOLETIM

Nº 21 | novembro de 2022

Em 25 de novembro de 2022, o CIEVS Bahia emitiu um Comunicado de Risco, cujo objetivo era alertar acerca da identificação das sublinhagens Covid-19 BQ.1, BQ.1.1, BQ.1.22, BN.1.3.1 e XBB.2, no estado da Bahia, assim como, recomendar medidas que podem ser adotadas para evitar a propagação das VOC no território.

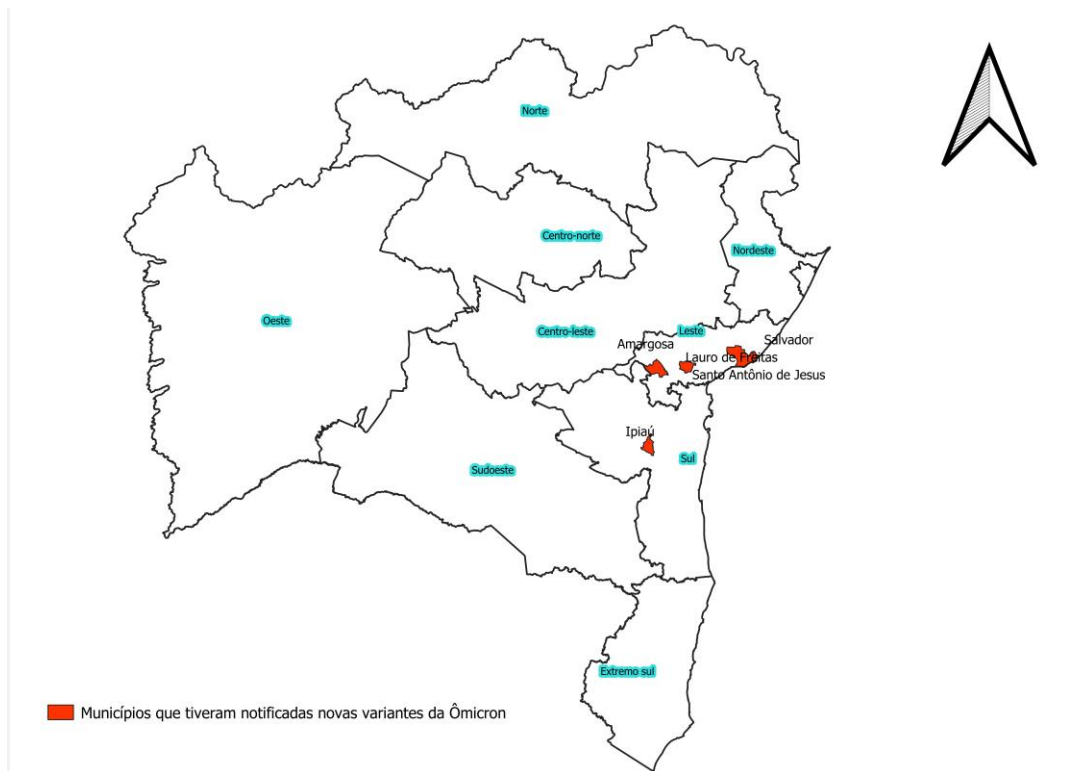
A distribuição territorial dos casos notificados de VOC na Bahia se apresenta de forma diferente em cada Macrorregional de Saúde. Essa distribuição corresponde aos casos notificados pelo LACEN BA e Fiocruz BA após resultados de sequenciamentos liberados no dia 26.11, 30.11.2022 e 07/12/2022 apenas pelo LACEN BA. Segue abaixo os dados descritos na tabela 1.

Tabela 1 – Resultados de sequenciamento genômico notificados do vírus SARS-CoV-2 por classificação VOC Ômicron, Macrorregional e municípios, Bahia, 2022 (SE 42 a 46)

MACRORREGIONAL DE SAÚDE	BQ.1	BQ.1.1	BQ.1.22	BQ.1.1.23	XBB.3	XBB.2
CENTRO LESTE	4	2	4	0	0	0
RUY BARBOSA	0	0	1	0	0	0
EUCLIDES DA CUNHA	0	0	1	0	0	0
SERRINHA	1	1	0	0	0	0
CONCEIÇÃO DO COITÉ	0	0	1	0	0	0
FEIRA DE SANTANA	3	1	1	0	0	0
CENTRO NORTE	0	0	1	0	0	0
MAIRI	0	0	1	0	0	0
EXTREMO SUL	1	2	2	0	0	0
PORTO SEGURO	0	1	1	0	0	0
TEXEIRA DE FREITAS	1	1	0	0	0	0
PRADO	0	0	1	0		0
LESTE	8	31	34	1	1	1
SALVADOR	4	16	22	0	0	1
CANDEIAS	0	0	2	0	0	0
DIAS D'ÁVILA	0	0	1	0	0	0
LAURO DE FREITAS	1	3	8	0	0	0
SÃO SEBASTIÃO DO PASSÉ	0	3	0	0	0	0
AMARGOSA	0	0	1	0	0	0
SIMÕES FILHO	0	1	0	0	0	0
CACHOEIRA	0	1	0	0	0	0
CAMAÇARI	1	1	0	0	0	0
SALINAS DAS MARGARIDAS	1	2	0	0	0	0
SANTO ANTONIO DE JESUS	0	4	0	1	1	0
CRUZ DAS ALMAS	1	0	0	0	0	0
SUL	0	1	2	0	0	0
ILHÉUS	0	0	2	0	0	0
IPIAU	0	0	0	0	0	0
JEQUIÉ	0	1	0	0	0	0
NORTE	2	0	0	0	0	0
JUAZEIRO	1	0	0	0	0	0
SENHOR DO BONFIM	0	0	0	0	0	0
UAUA	1	0	0	0	0	0
TOTAL GERAL	15	32	43	1	1	1

As novas sublinhagens identificadas pela primeira vez no estado (BE.9, BQ.1.1.23, XBB.1 e XBB.3) foram detectadas em duas macrorregiões do estado, conforme distribuição espacial demonstrada na Figura 1.

Figura 1 – Distribuição espacial dos casos confirmados e notificadas das novas sublinhagens de VOC, Bahia, 2022 (SE 42 a 46).



Fonte: Elaborado pelo Centro de Informações Estratégicas em Vigilância em Saúde do Estado da Bahia. Dados notificados até 08/12/2022.

REFERÊNCIAS

BRASIL. MINISTÉRIO DA SAÚDE. Boletim Epidemiológico nº139 – Boletim COE Coronavírus. Disponível em: <https://www.gov.br/saude/ptbr/centrais-deconteudo/publicacoes/boletins/epidemiologicos/covid19/2022/boletim-epidemiologico-no-139-boletim-coecoronavirus/view>

BRASIL. MINISTÉRIO DA SAÚDE. Vigilância genômica do vírus SARS-CoV-2 no âmbito da SVS/MS. Ministério da Saúde, Secretaria de Vigilância em Saúde. Brasília: Ministério da Saúde, 2021. Disponível em: <https://www.gov.br/saude/ptbr/coronavirus/publicacoes-tecnicas/guia-seplanos/vigilancia-genomica-do-virus-sars-cov-2>