

**Secretaria de Saúde do
Estado da Bahia - SESAB**

Governador
Rui Costa

Vice Governador
João Leão

Secretária Interina da Saúde
Adélia Pinheiro

**Superintendência de Vigilância
e Proteção da Saúde do Estado
da Bahia - SUVISA**

Superintendente
Rívia Barros

Comunicação
Éfren Ferreira

**Centro de Informações Estratégicas
em Vigilância em Saúde Estado da
Bahia - CIEVS**

Coordenação
Edilene Rocha
Talita Urpia
Tatiana Medrado

Equipe Técnica
Ana Cotrim
Bárbara Reis
Caroline Carvalho
Ênio Soares
Fabríola Araújo
Fernanda Ribeiro
Imeide Santos
Juliana Andrade
Juliana Oliveira
Lívia Guerra
Paula Muniz
Paula Ribeiro
Patrícia França
Renata Oliveira
Rozeana Matos
Sheila de Jesus

Residentes
Jayelen Alves
Nayara Nogueira
Taiane Sevida

Administrativo
Jéssica Araújo

Vigilância Genômica do SARS-COV-2

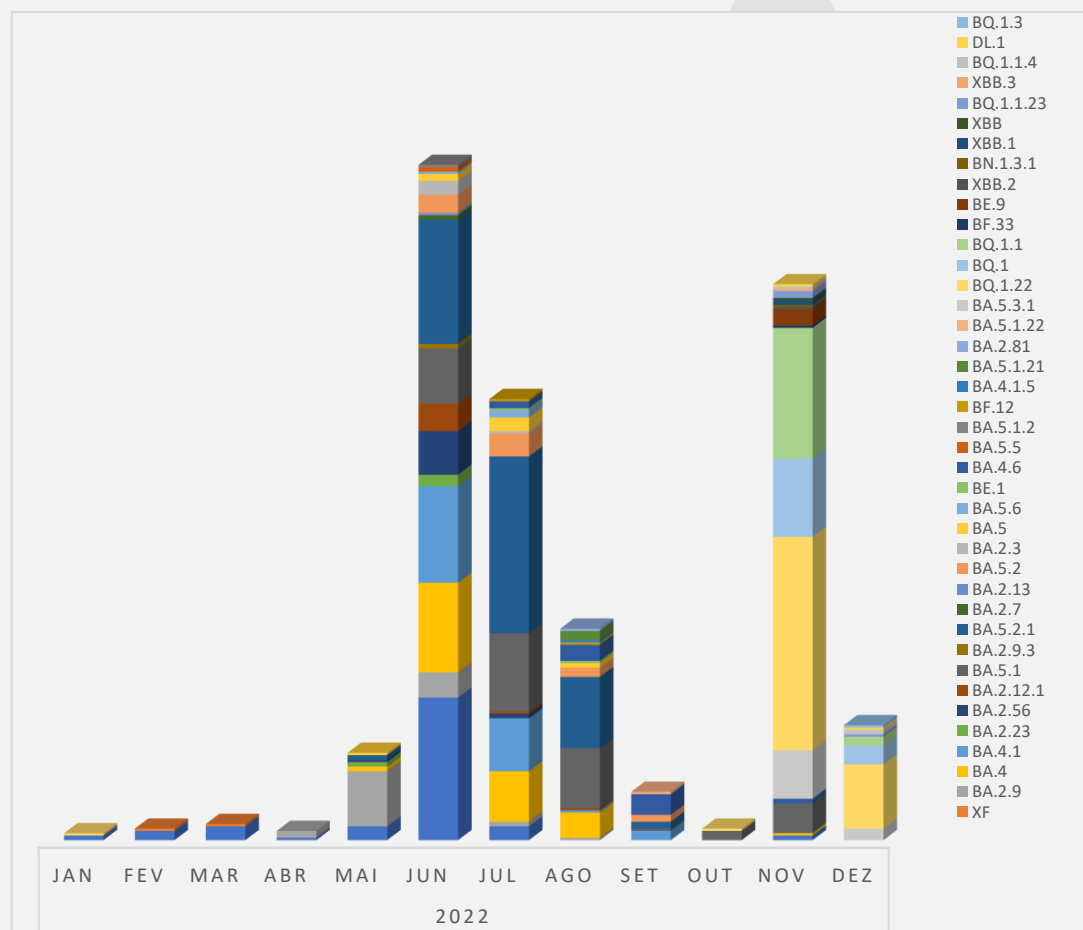
A COVID-19 é uma doença causada pelo coronavírus, denominado SARS-CoV-2, que como outros vírus, sofre mutações esperadas. Para avaliar a caracterização genômica do vírus, é realizada uma investigação laboratorial, que ocorre através de sequenciamento genético. Essa ação se tornou uma ferramenta estratégica para a saúde pública, contribuindo no enfrentamento da pandemia.

A Organização Mundial da Saúde (OMS) avalia rotineiramente o comportamento das variantes do vírus SARS-CoV-2: se há mudanças na transmissibilidade, na clínica da doença ou na gravidade; e quaisquer alterações que possam implicar a implementação de novas medidas de prevenção e controle da doença. A vigilância genômica deve ser oportuna. Quando as mutações geram alterações relevantes, com impactos no aspecto clínico-epidemiológico da doença, caracteriza-se esse vírus como uma variante de preocupação (variant of concern - VOC).

Uma nova categoria foi adicionada ao rastreamento de variantes, intitulada como "Sublinhagens da VOC Ômicron sob Monitoramento" para sinalizar às autoridades de saúde pública em todo o mundo quais linhagens de VOC podem exigir atenção e monitoramento prioritários com o objetivo de identificar precocemente se essas linhagens podem representar uma ameaça adicional à saúde pública global em comparação com outras linhagens circulantes.

A variante XBB é uma sublinhagem recombinante, que mescla duas versões da Ômicron, a BA.2.10.1 e a BA.2.75 existindo evidências preliminares que sugerem um risco maior de reinfeção, comparada a outras sublinhagens da ômicron.

Gráfico 1 – Resultados de sequenciamento genômico notificados do vírus SARS-CoV-2 por sublinhagem de monitoramento e mês de coleta, Bahia, 2022.



Fonte: Elaborado pelo Centro de Informações Estratégicas em Vigilância em Saúde do Estado da Bahia. Dados notificados até 26/12/2022.

A distribuição territorial dos casos notificados da VOC Ômicron, na Bahia, se apresenta de forma heterogênea em cada Macrorregional de Saúde. Os resultados abaixo, descritos na tabela 1, foram de exames analisados pelo LACEN BA.

Tabela 1— Resultados de sequenciamento genômico notificados do vírus SARS-CoV-2 por classificação VOC Ômicron, macrorregional e município de residência, Bahia, dados parciais da SE 51 de 2022.

MACRORREGIONAL DE SAÚDE	BA.4	BA.5.3.1	BE.9	BQ.1	BQ.1.1	BQ.1.1.23	BQ.1.1.4	BQ.1.22	BQ.1.3	DL.1
CENTRO LESTE										
ÁGUA FRIA	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0
ARACI	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0
BIRITINGA	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0
BOA VISTA DO TUPIM	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0
CORACAO DE MARIA	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1
FEIRA DE SANTANA	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0
IACU	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0
IPECAETA	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0
IPIRA	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0
IRAQUARA	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0
IRARA	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0
MUNDO NOVO	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0
NORDESTINA	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0
PINTADAS	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0
QUIJINGUE	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0
RUY BARBOSA	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0
SANTALUZ	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0
SAO GONCALO DOS CAMPOS	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0
TEODORO SAMPAIO	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0
TUCANO	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0
WAGNER	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0
CENTRO NORTE										
JOAO DOURADO	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0
JUSSARA	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0
MORRO DO CHAPEU	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0
SAUDE	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0
EXTREMO SUL										
ITAMARAJU	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0
ITANHEM	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0
NOVA VIÇOSA	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0
LESTE										
CABACEIRAS DO PARAGUACU	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0
CAMACARI	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0
CONCEICAO DO ALMEIDA	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0
ELISIO MEDRADO	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0
LAURO DE FREITAS	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0
MADRE DE DEUS	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0
MARAGOGIPE	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0
POJUCA	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0
SALVADOR	0	0	1	6	21	2	0	6	0	1
SANTO AMARO	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0
SAO FRANCISCO DO CONDE	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0
SAUBARA	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0
NORDESTE										
CORONEL JOAO SA	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0
CRISOPOLIS	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0
RIO REAL	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0
NORTE										
CASA NOVA	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0
OESTE										
BOM JESUS DA LAPA	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0
MORPARÁ	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0
SUDOESTE										
ANAGE	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0
GUANAMBI	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0
POCOES	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0
SUL										
BREJOES	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0
CAMACAN	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0
ILHEUS	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0
ITABUNA	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0
JAGUAQUARA	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0
MANOEL VITORINO	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0
MARACAS	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0
NOVA ITARANA	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0
PLANALTINO	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0
SAO JOSE DA VITORIA	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0
URUCUCA	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0
TOTAL GERAL	1	6	3	15	26	3	2	39	1	2

BOLETIM

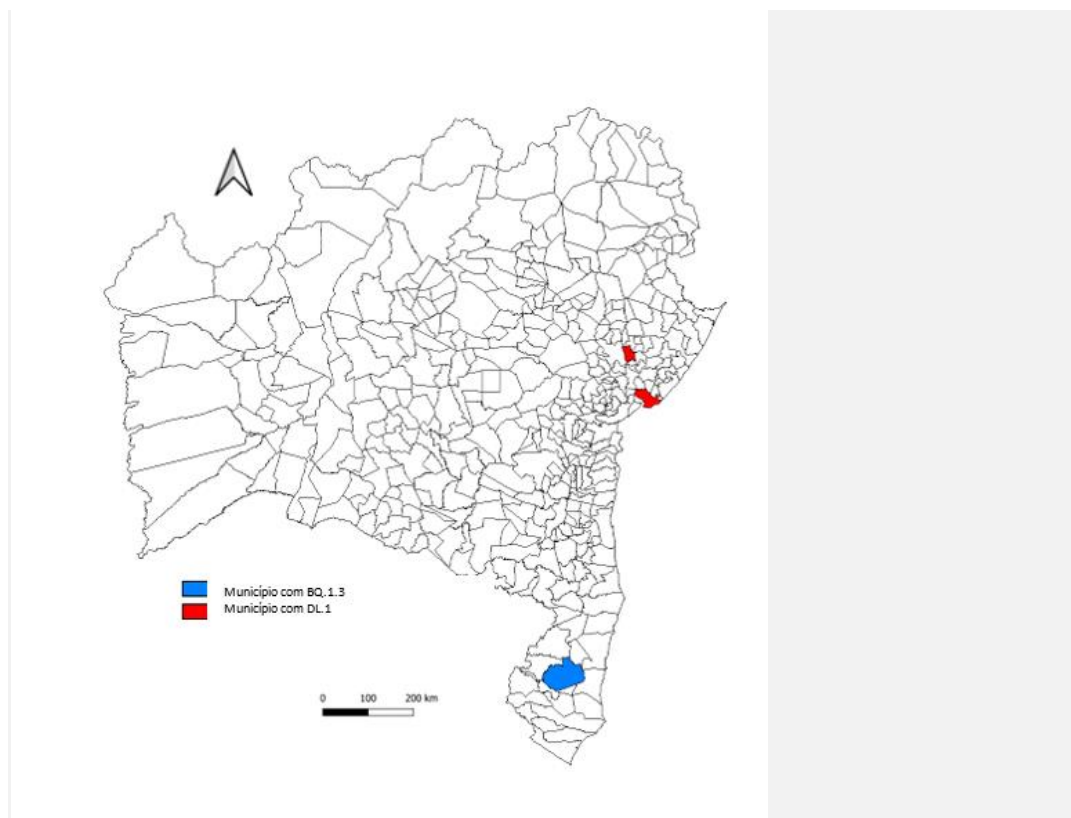
Nº23 | dezembro de 2022

Critérios de inclusão para sequenciamento de amostras do vírus SARS-CoV-2, conforme PROTOCOLO PARA SEQUENCIAMENTO DO SARS-CoV-2 NO LACEN/BA de 13/04/2021:

- Caso suspeito de reinfecção;
- Caso de COVID-19 com evolução para óbito;
- Caso com agravamento de quadro clínico com evolução rápida;
- Caso de indivíduo com reação adversa pós-vacina;
- Caso de surto de COVID-19;
- Resultado de RT-PCR para SARS-CoV-2 com perfil atípico de amplificação dos alvos;
- Amostras selecionadas aleatoriamente oriundas dos 417 municípios do estado da Bahia;

Novas sublinhagens foram identificadas pela primeira vez no estado. A BQ.1.3 foi detectada no município de Itamaraju, na Macrorregião Extremo Sul e a DL.1 em 2 municípios: Salvador, na Macrorregião Leste, e Coração de Maria, na Macrorregião Centro Leste, conforme distribuição espacial demonstrada na Figura 1.

Figura 1 – Distribuição espacial das novas sublinhagem da Ômicron, Bahia, 2022 (SE 50).



Fonte: Elaborado pelo Centro de Informações Estratégicas em Vigilância em Saúde do Estado da Bahia. Dados notificados até 26/12/2022.

Até o momento não há indícios sobre alterações no comportamento do vírus com essas novas sublinhagens.

REFERÊNCIAS

BRASIL. MINISTÉRIO DA SAÚDE. Boletim Epidemiológico nº 144 – Boletim COE Coronavírus. Disponível em: <https://www.gov.br/saude/pt-br/centrais-de-conteudo/publicacoes/boletins/epidemiologicos/covid-19/2022/boletim-epidemiologico-no-144-boletim-coe-coronavirus/view>

BRASIL. MINISTÉRIO DA SAÚDE. Vigilância genômica do vírus SARS-CoV-2 no âmbito da SVS/MS. Ministério da Saúde, Secretaria de Vigilância em Saúde. Brasília: Ministério da Saúde, 2021. Disponível em: <https://www.gov.br/saude/pt-br/coronavirus/publicacoes-tecnicas/quias-e-planos/vigilancia-genomica-do-virus-sars-cov-2>