



BOLETIM

Nº22 | novembro de 2022

Critérios de inclusão para sequenciamento de amostras do vírus SARS-CoV-2, conforme PROTOCOLO PARA SEQUENCIAMENTO DO SARS-CoV-2 NO LACEN/BA de 13/04/2021:

- Caso suspeito de reinfeção;
- Caso de COVID-19 com evolução para óbito;
- Caso com agravamento de quadro clínico com evolução rápida;
- Caso de indivíduo com reação adversa pós-vacina;
- Caso de surto de COVID-19;
- Resultado de RT-PCR para SARS-CoV-2 com perfil atípico de amplificação dos alvos;
- Amostras selecionadas aleatoriamente oriundas dos 417 municípios do estado da Bahia;

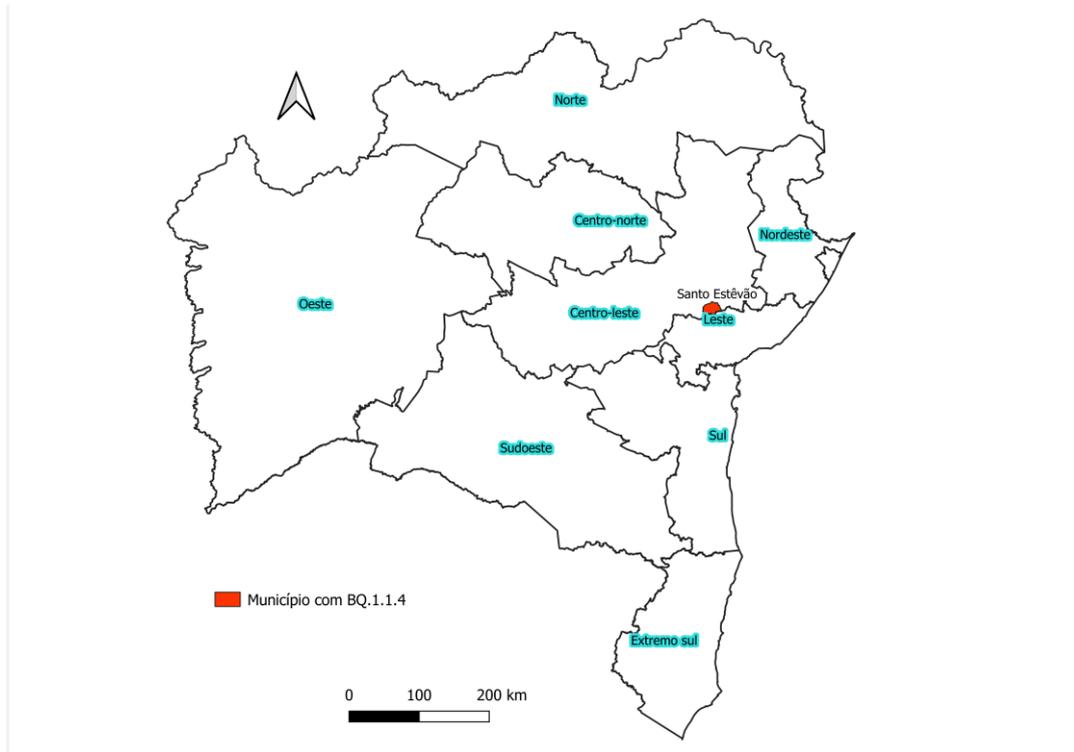
A distribuição territorial dos casos notificados da VOC Ômicron, na Bahia, se apresenta de forma heterogênea em cada Macrorregional de Saúde. Os resultados abaixo, descritos na tabela 1, foram de exames analisados pelo LACEN BA.

Tabela 1 – Resultados de sequenciamento genômico notificados do vírus SARS-CoV-2 por classificação VOC Ômicron, macrorregional e município de residência, Bahia, dados parciais da SE 50 de 2022.

| MACRORREGIONAL DE SAÚDE | BA.4.6 | BA.5.1 | BA.5.3.1 | BE.9 | BQ.1 | BQ.1.1.4 | BQ.1.22 |
|---------------------------|----------|----------|----------|----------|-----------|----------|-----------|
| CENTRO LESTE | | | | | | | |
| ANGUERA | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 |
| BARROCAS | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 2 |
| CANDEAL | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 |
| CONCEIÇÃO DO JACUIPE | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 2 |
| FEIRA DE SANTANA | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 |
| ITABERABA | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 |
| MUCUGÊ | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 |
| RUY BARBOSA | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 |
| SANTA BÁRBARA | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 |
| SANTO ESTÊVÃO | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 |
| SERRINHA | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 |
| EXTREMO SUL | | | | | | | |
| ALCOBAÇA | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 |
| PORTO SEGURO | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 |
| LESTE | | | | | | | |
| CAMAÇARI | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 |
| CANDEIAS | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 |
| CASTRO ALVES | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 |
| CONCEIÇÃO DE FEIRA | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 |
| CONCEIÇÃO DO ALMEIDA | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 |
| ITAPARICA | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 |
| LAJE | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 |
| LAURO DE FREITAS | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 |
| MADRE DE DEUS | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 |
| MILAGRES | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 |
| PRESIDENTE TANCREDO NEVES | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 |
| SALINAS DA MARGARIDA | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 |
| SALVADOR | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 6 |
| SÃO FELIPE | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 |
| SÃO SEBASTIÃO DO PASSÉ | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 |
| SIMÕES FILHO | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 |
| NORDESTE | | | | | | | |
| ACAJUTIBA | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 |
| ESPLANADA | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 |
| SUL | | | | | | | |
| CANAVIEIRAS | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 2 |
| GANDU | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 |
| IGRAPIÚNA | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 |
| ITUBERÁ | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 |
| JEQUIÉ | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| VALENÇA | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 |
| TOTAL GERAL | 1 | 1 | 6 | 1 | 12 | 1 | 42 |

A nova sublinhagem identificada pela primeira vez no estado, BQ.1.1.4 foi detectada em 1 município da Macrorregião Centro Leste, conforme distribuição espacial demonstrada na Figura 1.

Figura 1 – Distribuição espacial da nova sublinhagem da Ômicron, Bahia, 2022 (SE 50).



Fonte: Elaborado pelo Centro de Informações Estratégicas em Vigilância em Saúde do Estado da Bahia. Dados notificados até 14/12/2022.

Até o momento não há indícios sobre alterações no comportamento do vírus com essa nova sublinhagem.

REFERÊNCIAS

BRASIL. MINISTÉRIO DA SAÚDE. Boletim Epidemiológico nº 142 – Boletim COE Coronavírus. Disponível em: <https://www.gov.br/saude/pt-br/centrais-de-contenido/publicacoes/boletins/epidemiologicos/covid-19/2022/boletim-epidemiologico-no-142-boletim-coe-coronavirus/view>

BRASIL. MINISTÉRIO DA SAÚDE. Vigilância genômica do vírus SARS-CoV-2 no âmbito da SVS/MS. Ministério da Saúde, Secretaria de Vigilância em Saúde. Brasília: Ministério da Saúde, 2021. Disponível em: <https://www.gov.br/saude/pt-br/coronavirus/publicacoes-tecnicas/guias-e-planos/vigilancia-genomica-do-virus-sars-cov-2>