

Secretaria de Saúde do
Estado da Bahia - SESABGovernador
Jerônimo RodriguesVice Governador
Geraldo JúniorSecretária Interina da Saúde
Roberta SantanaSuperintendência de Vigilância
e Proteção da Saúde do Estado
da Bahia - SUVISASuperintendente
Rívia BarrosComunicação
Éfren FerreiraCentro de Informações
Estratégicas em Vigilância em
Saúde Estado da Bahia - CIEVSCoordenação
Edilêne Rocha
Talita Uripia
Tatiana Medrado

Equipe Técnica

Ana Cotrim
Bárbara Reis
Caroline Carvalho
Ênio Soares
Edson Ribeiro
Fabiola Araújo
Fernanda Ribeiro
Imeide Santos
Juliana Andrade
Juliana Oliveira
Lívia Guerra
Paula Muniz
Paula Ribeiro
Patrícia França
Renata Oliveira
Rozeana Matos
Sheila de Jesus

Residentes

Jayelen Alves
Nayara Nogueira
Taiane Sevita

Administrativo
Rosângela Santos

Vigilância Genômica do SARS-COV-2

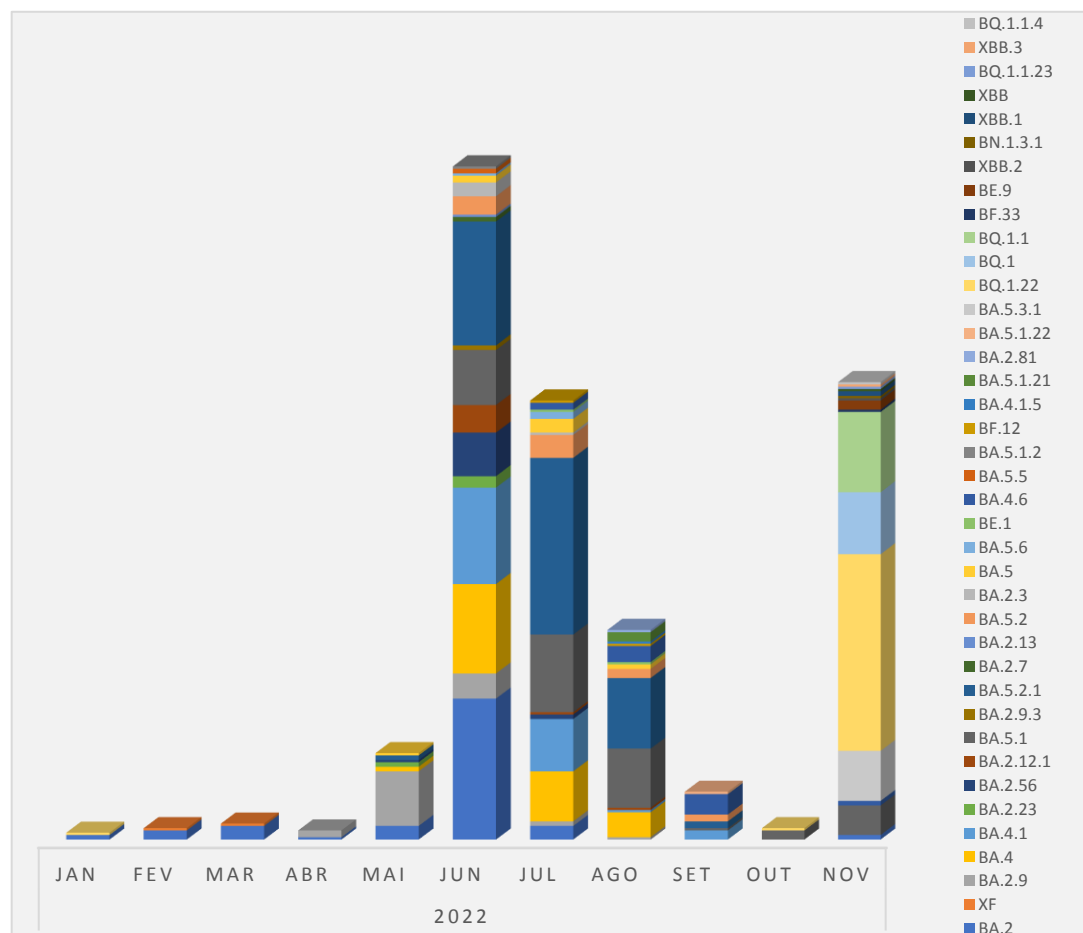
A COVID-19 é uma doença causada pelo coronavírus, denominado SARS-CoV-2, que como outros vírus, sofre mutações esperadas. Para avaliar a caracterização genômica do vírus, é realizada uma investigação laboratorial, que ocorre através de sequenciamento genético. Essa ação se tornou uma ferramenta estratégica para a saúde pública, contribuindo no enfrentamento da pandemia.

A Organização Mundial da Saúde (OMS) avalia rotineiramente o comportamento das variantes do vírus SARS-CoV-2: se há mudanças na transmissibilidade, na clínica da doença ou na gravidade; e quaisquer alterações que possam implicar a implementação de novas medidas de prevenção e controle da doença. A vigilância genômica deve ser oportuna. Quando as mutações geram alterações relevantes, com impactos no aspecto clínico-epidemiológico da doença, caracteriza-se esse vírus como uma variante de preocupação (variant of concern - VOC).

Uma nova categoria foi adicionada ao rastreamento de variantes, intitulada como “Sublinhagens da VOC Ômicron sob Monitoramento” para sinalizar às autoridades de saúde pública em todo o mundo quais linhagens de VOC podem exigir atenção e monitoramento prioritários com o objetivo de identificar precocemente se essas linhagens podem representar uma ameaça adicional à saúde pública global em comparação com outras linhagens circulantes.

A variante XBB é uma sublinhagem recombinante, que mescla duas versões da Ômicron, a BA.2.10.1 e a BA.2.75 existindo evidências preliminares que sugerem um risco maior de reinfecção, comparada a outras sublinhagens da ômicron.

Gráfico 1 – Resultados de sequenciamento genômico notificados do vírus SARS-CoV-2 por sublinhagem de monitoramento e mês de coleta, Bahia, 2022 e 2023.



BOLETIM

Nº25 | janeiro de 2023

A distribuição territorial dos casos notificados da VOC Ômicron, na Bahia, se apresenta de forma heterogênea em cada Macrorregional de Saúde. Os resultados abaixo, descritos na tabela 1, foram de exames analisados pelo LACEN BA.

Tabela 1 – Resultados de sequenciamento genômico notificados do vírus SARS-CoV-2 com data de coleta em 2023, por classificação VOC Ômicron, Núcleos Regionais de Saúde e Regiões de Saúde, Bahia, 2023.

Núcleos Regionais de Saúde e Regiões de Saúde	BQ.1	BQ.1.1	BQ.1.1.23	BQ.1.22	DL.1	XBB.1	Total Geral
CENTRO LESTE	1	0	0	1	0	1	3
FEIRA DE SANTANA	0	0	0	0	0	0	0
ITABERABA	1	0	0	1	0	1	3
SEABRA	0	0	0	0	0	0	0
SERRINHA	0	0	0	0	0	0	0
CENTRO NORTE	0	0	0	0	0	0	0
IRECÊ	0	0	0	0	0	0	0
JACOBINA	0	0	0	0	0	0	0
EXTREMO SUL	0	0	0	0	0	0	0
PORTO SEGURO	0	0	0	0	0	0	0
TEIXEIRA DE FREITAS	0	0	0	0	0	0	0
LESTE	0	0	1	3	1	0	5
CAMAÇARI	0	0	0	0	0	0	0
CRUZ DAS ALMAS	0	0	0	0	0	0	0
SALVADOR	0	0	1	3	1	0	5
SANTO ANTÔNIO DE JESUS	0	0	0	0	0	0	0
NORDESTE	0	0	0	0	0	0	0
ALAGOINHAS	0	0	0	0	0	0	0
RIBEIRA DO POMBAL	0	0	0	0	0	0	0
NORTE	0	0	0	0	0	0	0
JUAZEIRO	0	0	0	0	0	0	0
PAULO AFONSO	0	0	0	0	0	0	0
SENHOR DO BONFIM	0	0	0	0	0	0	0
OESTE	0	0	0	0	0	0	0
BARREIRAS	0	0	0	0	0	0	0
IBOTIRAMA	0	0	0	0	0	0	0
SANTA MARIA DA VITÓRIA	0	0	0	0	0	0	0
SUDOESTE	0	0	0	2	0	0	2
BRUMADO	0	0	0	0	0	0	0
GUANAMBI	0	0	0	2	0	0	2
ITAPETINGA	0	0	0	0	0	0	0
VITÓRIA DA CONQUISTA	0	0	0	0	0	0	0
SUL	1	1	0	1	0	0	3
ILHÉUS	1	1	0	1	0	0	3
ITABUNA	0	0	0	0	0	0	0
JEQUIÉ	0	0	0	0	0	0	0
VALENÇA	0	0	0	0	0	0	0
Total Geral	2	1	1	7	1	1	13

Fonte: Elaborado pelo Centro de Informações Estratégicas em Vigilância em Saúde do Estado da Bahia. Dados notificados até 21/01/2023.

Critérios de inclusão para sequenciamento de amostras do vírus SARS-CoV-2, conforme PROTOCOLO PARA SEQUENCIAMENTO DO SARS-CoV-2 NO LACEN/BA de 13/04/2021:

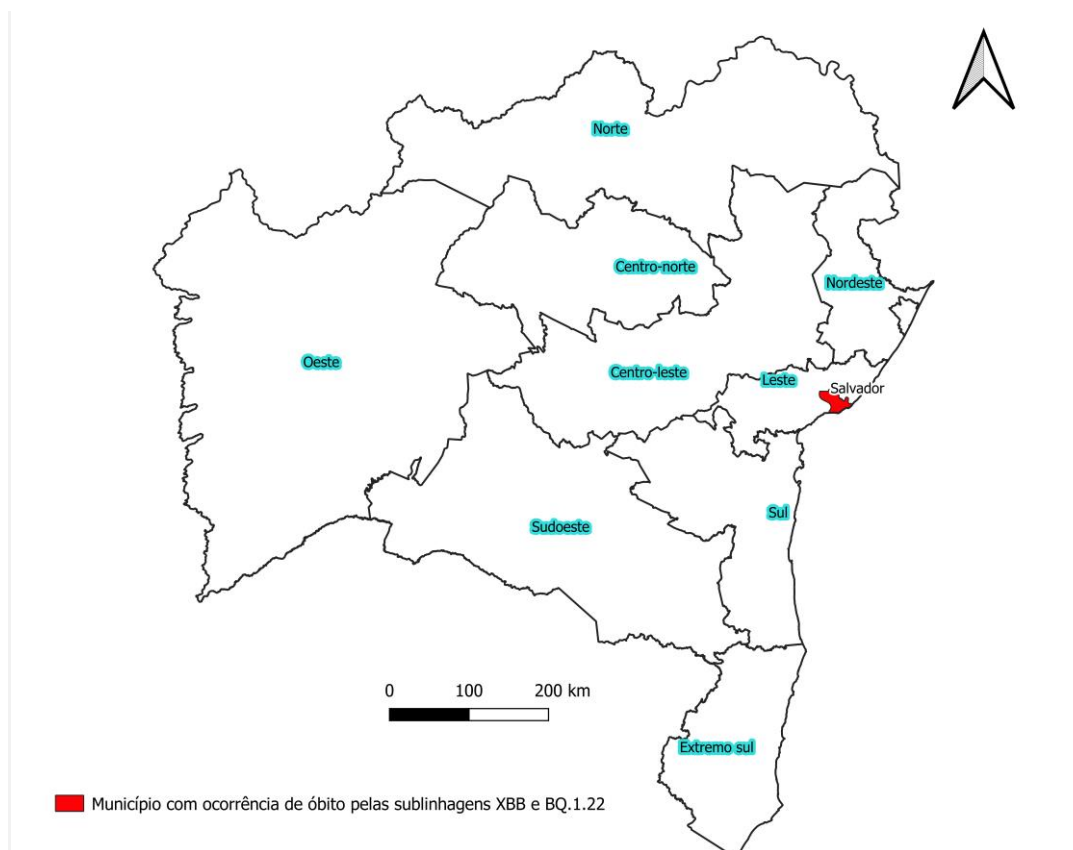
- Caso suspeito de reinfecção;
- Caso de COVID-19 com evolução para óbito;
- Caso com agravamento de quadro clínico com evolução rápida;
- Caso de indivíduo com reação adversa pós-vacina;
- Caso de surto de COVID-19;
- Resultado de RT-PCR para SARS-CoV-2 com perfil atípico de amplificação dos alvos;
- Amostras selecionadas aleatoriamente oriundas dos 417 municípios do estado da Bahia;

BOLETIM

Nº25 | janeiro de 2023

Apesar de já terem sido identificadas no Estado, importante destacar ocorrência de dois óbito pelas sublinhagens da Ômicron XBB e BQ.1.22 conforme figura 1. Os óbitos ocorreram no município de Salvador em pacientes que realizaram coleta na última Semana epidemiológica de 2022 (SE 52)

Figura 1 Distribuição espacial dos óbitos ocorridos pelas sublinhagens da Ômicron XBB e BQ.1.22 . Bahia, 2022 (SE 52).



Fonte: Elaborado pelo Centro de Informações Estratégicas em Vigilância em Saúde do Estado da Bahia. Dados notificados até 21.01.2023.

Conforme o último resultado das 58 amostras do sequenciamento de covid da Bahia, não foi encontrada nenhuma nova subvariante da Ômicron. Todas as sublinhagens identificadas nessas amostras já haviam sido identificadas anteriormente em nosso estado .

REFERÊNCIAS

BRASIL. MINISTÉRIO DA SAÚDE. Boletim Epidemiológico nº 145 – Boletim COE Coronavírus. Disponível em: <https://www.gov.br/saude/pt-br/centrais-de-conteudo/publicacoes/boletins/epidemiologicos/covid-19/2022/boletim-epidemiologico-no-145-boletim-coe-coronavirus/view>

BRASIL. MINISTÉRIO DA SAÚDE. Vigilância genômica do vírus SARS-CoV-2 no âmbito da SVS/MS. Ministério da Saúde, Secretaria de Vigilância em Saúde. Brasília: Ministério da Saúde, 2021. Disponível em: <https://www.gov.br/saude/pt-br/coronavirus/publicacoes-tecnicas/guias-e-planos/vigilancia-genomica-do-virus-sars-cov-2>